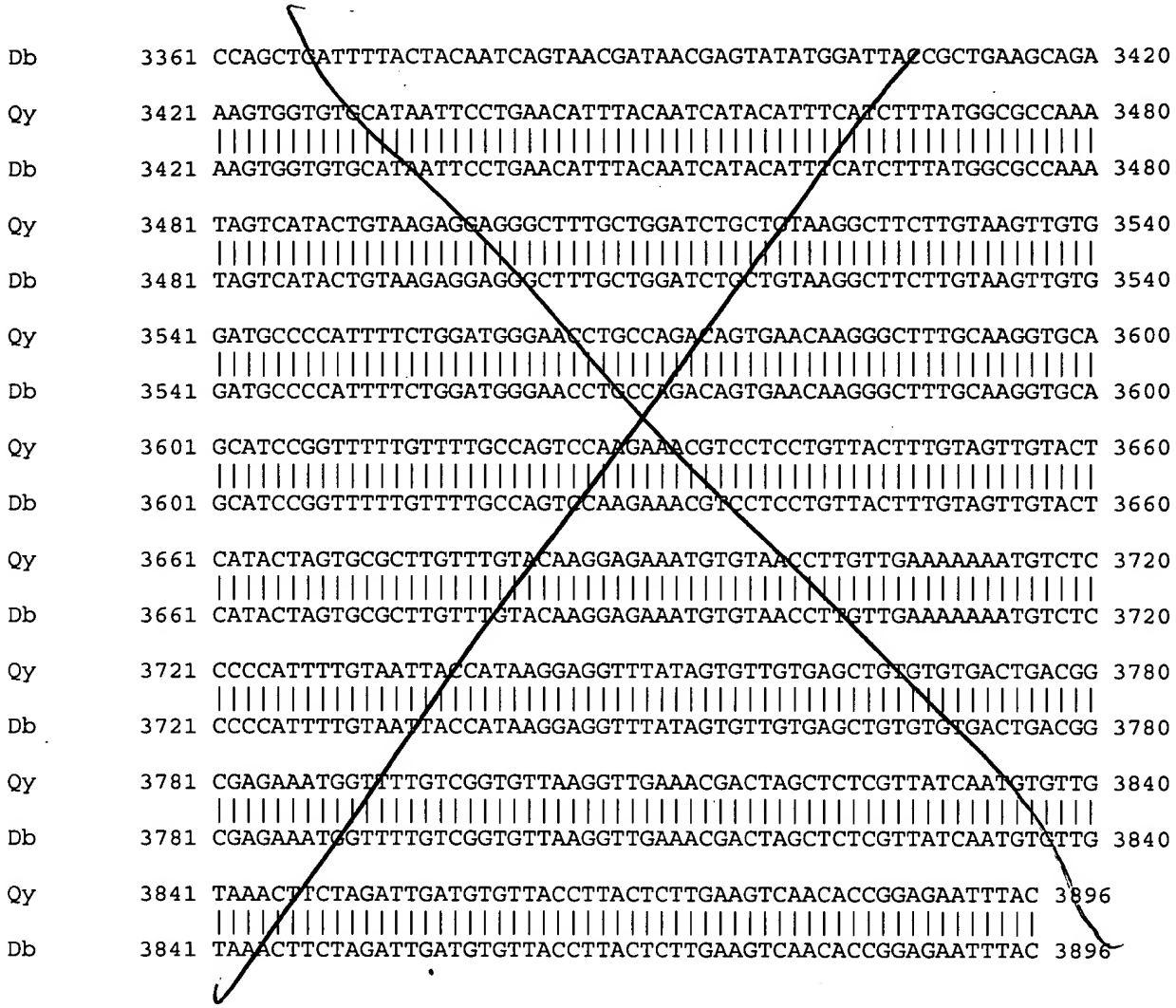

```
Db       3361 CCAGCTGATTTTACTACAATCAGTAACGATAACGAGTATATGGATTACCGCTGAAGCAGA 3420

Qy       3421 AAGTGGTGTGCATAATTCCTGAACATTTACAATCATACATTTCATCTTTATGGCGCCAAA 3480
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3421 AAGTGGTGTGCATAATTCCTGAACATTTACAATCATACATTTCATCTTTATGGCGCCAAA 3480

Qy       3481 TAGTCATACTGTAAGAGGAGGGCTTTGCTGGATCTGCTGTAAGGCTTCTTGTAAGTTGTG 3540
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3481 TAGTCATACTGTAAGAGGAGGGCTTTGCTGGATCTGCTGTAAGGCTTCTTGTAAGTTGTG 3540

Qy       3541 GATGCCCCATTTTCTGGATGGGAACCTGCCAGACAGTGAACAAGGGCTTTGCAAGGTGCA 3600
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3541 GATGCCCCATTTTCTGGATGGGAACCTGCCAGACAGTGAACAAGGGCTTTGCAAGGTGCA 3600

Qy       3601 GCATCCGGTTTTTGTTTTGCCAGTCCAAGAAACGTCCTCCTGTTACTTTGTAGTTGTACT 3660
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3601 GCATCCGGTTTTTGTTTTGCCAGTCCAAGAAACGTCCTCCTGTTACTTTGTAGTTGTACT 3660

Qy       3661 CATACTAGTGCGCTTGTTTGTACAAGGAGAAATGTGTAACCTTGTTGAAAAAAATGTCTC 3720
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3661 CATACTAGTGCGCTTGTTTGTACAAGGAGAAATGTGTAACCTTGTTGAAAAAAATGTCTC 3720

Qy       3721 CCCCATTTTGTAATTACCATAAGGAGGTTTATAGTGTTGTGAGCTGTGTGTGACTGACGG 3780
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3721 CCCCATTTTGTAATTACCATAAGGAGGTTTATAGTGTTGTGAGCTGTGTGTGACTGACGG 3780

Qy       3781 CGAGAAATGGTTTTGTCGGTGTTAAGGTTGAAACGACTAGCTCTCGTTATCAATGTGTTG 3840
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3781 CGAGAAATGGTTTTGTCGGTGTTAAGGTTGAAACGACTAGCTCTCGTTATCAATGTGTTG 3840

Qy       3841 TAAACTTCTAGATTGATGTGTTACCTTACTCTTGAAGTCAACACCGGAGAATTTAC 3896
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       3841 TAAACTTCTAGATTGATGTGTTACCTTACTCTTGAAGTCAACACCGGAGAATTTAC 3896
```

```
RESULT 2
US-10-447-135-1
; Sequence 1, Application US/10447135
; Publication No. US20030199684A1
; GENERAL INFORMATION:
;  APPLICANT: Hirochika, Hirohiko
;  APPLICANT:  Yamazaki, Muneo
;  APPLICANT:  Miyao, Akio
;  TITLE OF INVENTION: A novel gene involved in brassinosteroid responses
;  FILE REFERENCE: MAFF-1 DIV
;  CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/447,135
;  CURRENT FILING DATE:  2003-05-27
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/721,114
;  PRIOR FILING DATE: 2000-11-22
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: JAPAN 2000-149106
;  PRIOR FILING DATE: 2000-05-19
;  NUMBER OF SEQ ID NOS: 3
;  SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 1
;   LENGTH: 4310
;   TYPE: DNA
;   ORGANISM: Oryza sativa
;   FEATURE:
;   NAME/KEY: CDS
;   LOCATION: (655)..(3828)
US-10-447-135-1
```

```
  Query Match             99.7%;  Score 3882.4;  DB 6;  Length 4310;
  Best Local Similarity   99.9%;  Pred. No. 0;
  Matches 3894;  Conservative    0;  Mismatches    1;  Indels    1;  Gaps    1;

Qy          1 CGCGGCTGTCGGAGCAAACGCAAACCCCCCAGGTTGTTCTAGCGTGTGCAGCGGCTAGCT 60
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        415 CGCGGCTGTCGGAGCAAACGCAAACCCCCCAGGTTGTTCTAGCGTGTGCAGCGGCTAGCT 474

Qy         61 GATTGATTGTCTTCTGTGATATATCCAGAGCTCGTGTTTTGTGGTTTGTGGTTTGTGGTT 120
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        475 GATTGATTGTCTTCTGTGATATATCCAGAGCTCGTGTTTTGTGGTTTGTGGTTTGTGGTT 534

Qy        121 TGTGCTTGGATTGTTGATGTGCTAATTCGCGGCGTTACAAGATCACTGCTGGATTGATAT 180
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        535 TGTGCTTGGATTGTTGATGTGCTAATTCGCGGCGTTACAAGATCACTGCTGGATTGATAT 594

                                                  203
Qy        181 TGAGTTGTGCCTCGGCTGTGCTGGCTGTGTGTTGATTCTCTCCTCGTCGTGGTGATCGAT 240
              |||||||||||||||||||| ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        595 TGAGTTGTGCCTCGGCTGTGCTAGCTGTGTGTTGATTCTCTCCTCGTCGTGGTGATCGAT 654

Qy        241 ATGGAGATTGTTGCAGTAGATCAGGAGGGAGCTCGTGTTGTTGGGACGAACTGTATGCTT 300
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        655 ATGGAGATTGTTGCAGTAGATCAGGAGGGAGCTCGTGTTGTTGGGACGAACTGTATGCTT 714

Qy        301 GCTCGTGGTGGAACTGGTGCTGTAGCGCCAGTGTTGGAGCTGACAGCGACGCCTCGTCAG 360
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        715 GCTCGTGGTGGAACTGGTGCTGTAGCGCCAGTGTTGGAGCTGACAGCGACGCCTCGTCAG 774

Qy        361 GATGCAGCCGCTGAAGCTGGTGTAGACGAACCGGCACAACACCAATGCGAGCATTTCTCC 420
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        775 GATGCAGCCGCTGAAGCTGGTGTAGACGAACCGGCACAACACCAATGCGAGCATTTCTCC 834

Qy        421 ATAAGAGGGTATGTTGCTCTTCTTCAGAAGAAGGATCCAAAATTCTGCTCTCTATCTCGG 480
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        835 ATAAGAGGGTATGTTGCTCTTCTTCAGAAGAAGGATCCAAAATTCTGCTCTCTATCTCGG 894

Qy        481 ATTTTCCATGACCAGAAAAAATGTGATGAACACAAAGCTAGTTCAAGCCCATTTTCTGTA 540
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        895 ATTTTCCATGACCAGAAAAAATGTGATGAACACAAAGCTAGTTCAAGCCCATTTTCTGTA 954

Qy        541 GCAAAGTTTCGACGATGGGATTGCTCGAAGTGCTTGGATAAGTTGAAAACTTCAGATAAT 600
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        955 GCAAAGTTTCGACGATGGGATTGCTCGAAGTGCTTGGATAAGTTGAAAACTTCAGATAAT 1014

Qy        601 GGAACAGCACCAAGAACTCTTCCCGCAAAGCAGAATGGCACAAGTGATGGTTGCTCCATC 660
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       1015 GGAACAGCACCAAGAACTCTTCCCGCAAAGCAGAATGGCACAAGTGATGGTTGCTCCATC 1074

Qy        661 ACATTTGTTCGGAGCACTTTTGTGCCTGCTAGTGTTGGTTCCCAAAAAGTGTCTCCTAGC 720
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       1075 ACATTTGTTCGGAGCACTTTTGTGCCTGCTAGTGTTGGTTCCCAAAAAGTGTCTCCTAGC 1134

Qy        721 ACACAATCATCTCAAGGGAAGAATGCTGATAGATCAACTCTTCCAAAGAGTGTGCAAGAA 780
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       1135 ACACAATCATCTCAAGGGAAGAATGCTGATAGATCAACTCTTCCAAAGAGTGTGCAAGAA 1194

Qy        781 GGCAATGACTCCAAATGCAATGCGCCTTCTGGCAAGAATGGAGCTGCTGAGGCCAATACT 840
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       1195 GGCAATGACTCCAAATGCAATGCGCCTTCTGGCAAGAATGGAGCTGCTGAGGCCAATACT 1254
```

```
Qy       841 GATTCACCAATGAAAGATTTGCAAGGGCCAGCCCAAAATTATGATGTGGCAGCAAATGTC 900
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1255 GATTCACCAATGAAAGATTTGCAAGGGCCAGCCCAAAATTATGATGTGGCAGCAAATGTC 1314

Qy       901 TCTGAGGACAACACTTCTGTTGATGTTGGGGCTTTACCTGAAGTTCCCCAGATTACATGG 960
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1315 TCTGAGGACAACACTTCTGTTGATGTTGGGGCTTTACCTGAAGTTCCCCAGATTACATGG 1374

Qy       961 CACATAGAAGTAAATGGTGCAGATCAACCTCCATCCACTCCAAAACTTTCTGAAGTGGTC 1020
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1375 CACATAGAAGTAAATGGTGCAGATCAACCTCCATCCACTCCAAAACTTTCTGAAGTGGTC 1434

Qy      1021 CTCAAAAGAAATGAAGATGAAAATGGAAAAACTGAAGAGACTCTTGTTGCTGAGCAGTGC 1080
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1435 CTCAAAAGAAATGAAGATGAAAATGGAAAAACTGAAGAGACTCTTGTTGCTGAGCAGTGC 1494

Qy      1081 AATTTGACCAAAGATCCTAACCCAATGTCTGGAAAGGAACGTGATCAGGTTGCTGAGCAG 1140
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1495 AATTTGACCAAAGATCCTAACCCAATGTCTGGAAAGGAACGTGATCAGGTTGCTGAGCAG 1554

Qy      1141 TGCAATTTGACCAAAGATCCGAAACCAGTGTCTGGGCAGAAATGTGAGCAGATCTGCAAT 1200
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1555 TGCAATTTGACCAAAGATCCGAAACCAGTGTCTGGGCAGAAATGTGAGCAGATCTGCAAT 1614

Qy      1201 GAGCCATGTGAAGAAGTTGTTCTCAAAAGAAGCTCCAAATCTAAGAGGAAGACGGATAAG 1260
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1615 GAGCCATGTGAAGAAGTTGTTCTCAAAAGAAGCTCCAAATCTAAGAGGAAGACGGATAAG 1674

Qy      1261 AAGTTGATGAAGAAGCAGCAGCACAGCAAGAAACGCACTGCCCAGGCTGATGTTTCAGAT 1320
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1675 AAGTTGATGAAGAAGCAGCAGCACAGCAAGAAACGCACTGCCCAGGCTGATGTTTCAGAT 1734

Qy      1321 GCAAAGCTTTGTCGGAGAAAGCCAAAAAAGGTGCGGCTTCTATCAGAAATTATAAATGCT 1380
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1735 GCAAAGCTTTGTCGGAGAAAGCCAAAAAAGGTGCGGCTTCTATCAGAAATTATAAATGCT 1794

Qy      1381 AACCAGGTTGAGGATTCTAGAAGTGACGAAGTTCATCGTGAAAATGCCGCTGATCCCTGT 1440
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1795 AACCAGGTTGAGGATTCTAGAAGTGACGAAGTTCATCGTGAAAATGCCGCTGATCCCTGT 1854

Qy      1441 GAGGATGATAGAAGTACCATCCCGGTCCCGATGGAAGTAAGCATGGATATTCCTGTTAGC 1500
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1855 GAGGATGATAGAAGTACCATCCCGGTCCCGATGGAAGTAAGCATGGATATTCCTGTTAGC 1914

Qy      1501 AACCATACAGTGGGAGAAGATGGGTTAAAATCAAGTAAGAACAAGACAAAACGCAAATAC 1560
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1915 AACCATACAGTGGGAGAAGATGGGTTAAAATCAAGTAAGAACAAGACAAAACGCAAATAC 1974

Qy      1561 TCTGATGTTGTAGATGATGGATCATCACTTATGAACTGGCTGAATGGAAAAAAGAAAAGA 1620
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      1975 TCTGATGTTGTAGATGATGGATCATCACTTATGAACTGGCTGAATGGAAAAAAGAAAAGA 2034

Qy      1621 ACTGGAAGTGTGCATCACACAGTTGCTCATCCAGCTGGGAATTTGAGCAACAAAAAAGTG 1680
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      2035 ACTGGAAGTGTGCATCACACAGTTGCTCATCCAGCTGGGAATTTGAGCAACAAAAAAGTG 2094

Qy      1681 ACACCCACTGCGAGTACTCAGCATGATGATGAGAATGATACTGAAAATGGTCTTGACACA 1740
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      2095 ACACCCACTGCGAGTACTCAGCATGATGATGAGAATGATACTGAAAATGGTCTTGACACA 2154

Qy      1741 AATATGCATAAGACAGATGTCTGTCAGCATGTATCAGAAATCTCCACACAGAGGTGCTCA 1800
```

```
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2155 AATATGCATAAGACAGATGTCTGTCAGCATGTATCAGAAATCTCCACACAGAGGTGCTCA 2214

Qy        1801 TCAAAGGGGAAAACAGCGGGTTTGAGTAAGGGGAAAACACATTCAGCTGCTAGTACCAAA 1860
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2215 TCAAAGGGGAAAACAGCGGGTTTGAGTAAGGGGAAAACACATTCAGCTGCTAGTACCAAA 2274

Qy        1861 TATGGTGGTGAAAGCACCAGAAATGGTCAGAACATACATGTACTCAGCGCAGAAGATCAA 1920
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2275 TATGGTGGTGAAAGCACCAGAAATGGTCAGAACATACATGTACTCAGCGCAGAAGATCAA 2334

Qy        1921 TGCCAGATGGAAACCGAAAACTCTGTTCTGAGTCACTCGGCAAAGGTTTCTCCAGCTGAG 1980
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2335 TGCCAGATGGAAACCGAAAACTCTGTTCTGAGTCACTCGGCAAAGGTTTCTCCAGCTGAG 2394

Qy        1981 CATGATATCCAAATTATGTCTGACCTTCATGAGCAGAGTCTACCCAAGAAGAAAAAGAAG 2040
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2395 CATGATATCCAAATTATGTCTGACCTTCATGAGCAGAGTCTACCCAAGAAGAAAAAGAAG 2454

Qy        2041 CAAAAACTTGAAGTGACTCGTGAAAAACAGACCATGATAGATGACATCCCCATGGATATT 2100
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2455 CAAAAACTTGAAGTGACTCGTGAAAAACAGACCATGATAGATGACATCCCCATGGATATT 2514

Qy        2101 GTTGAACTGCTAGCTAAAAACCAGCATGAGAGGCAGCTTATGACTGAGACTGATTGTTCT 2160
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2515 GTTGAACTGCTAGCTAAAAACCAGCATGAGAGGCAGCTTATGACTGAGACTGATTGTTCT 2574

Qy        2161 GACATCAACCGTATTCAATCCAAGACAACTGCTGATGATGATTGTGTAATAGTAGCTGCC 2220
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2575 GACATCAACCGTATTCAATCCAAGACAACTGCTGATGATGATTGTGTAATAGTAGCTGCC 2634

Qy        2221 AAGGATGGTTCAGATTATGCATCAAGTGTGTTTGACACTAATTCCCAACAGAAGTCCTTG 2280
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2635 AAGGATGGTTCAGATTATGCATCAAGTGTGTTTGACACTAATTCCCAACAGAAGTCCTTG 2694

Qy        2281 GCATCCCAAAGTACACAGAAGGAGTTACAGGGTCATTTGGCATTGACCACACAAGAGTCT 2340
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2695 GCATCCCAAAGTACACAGAAGGAGTTACAGGGTCATTTGGCATTGACCACACAAGAGTCT 2754

Qy        2341 CCACATCCTCAGAACTTTCAGTCTACTCAGGAACAGCAGACACATTTGCGGATGGAAGAA 2400
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2755 CCACATCCTCAGAACTTTCAGTCTACTCAGGAACAGCAGACACATTTGCGGATGGAAGAA 2814

Qy        2401 ATGGTCACTATTGCTGCAAGCTCACCACTATTTTCACATCATGATGATCAGTATATTGCT 2460
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2815 ATGGTCACTATTGCTGCAAGCTCACCACTATTTTCACATCATGATGATCAGTATATTGCT 2874

Qy        2461 GAAGCACCAACTGAACATTGGGGCCGTAAGGACGCAAAGAAGCTAACGTGGGAGCAATTT 2520
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2875 GAAGCACCAACTGAACATTGGGGCCGTAAGGACGCAAAGAAGCTAACGTGGGAGCAATTT 2934

Qy        2521 AAGGCCACTACAAGAAATTCTCCAGCAGCAACATGTGGTGCTCAATTTAGACCTGGTATC 2580
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2935 AAGGCCACTACAAGAAATTCTCCAGCAGCAACATGTGGTGCTCAATTTAGACCTGGTATC 2994

Qy        2581 CAAGCAGTTGACTTGACTTCTACTCATGTCATGGGATCTTCCAGCAATTATGCATCTCGC 2640
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        2995 CAAGCAGTTGACTTGACTTCTACTCATGTCATGGGATCTTCCAGCAATTATGCATCTCGC 3054

Qy        2641 CAACCAGTAATTGCGCCACTGGACCGCTATGCTGAAAGAGCGGTTAACCAGGTCCATGCA 2700
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
```

```
Db      3055 CAACCAGTAATTGCGCCACTGGACCGCTATGCTGAAAGAGCGGTTAACCAGGTCCATGCA 3114

Qy      2701 AGAAATTTTCCAAGCACAATAGCAACCATGGAAGCGAGTAAGTTATGTGATCGGAGAAAT 2760
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3115 AGAAATTTTCCAAGCACAATAGCAACCATGGAAGCGAGTAAGTTATGTGATCGGAGAAAT 3174

Qy      2761 GCTGGACAAGTAGTCTTGTATCCTAAAGAATCCATGCCTGCGACGCATCTTCTGAGAATG 2820
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3175 GCTGGACAAGTAGTCTTGTATCCTAAAGAATCCATGCCTGCGACGCATCTTCTGAGAATG 3234

Qy      2821 ATGGATCCATCAACATTAGCAAGCTTCCCCAACTATGGAACTTCTAGCAGGAACCAGATG 2880
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3235 ATGGATCCATCAACATTAGCAAGCTTCCCCAACTATGGAACTTCTAGCAGGAACCAGATG 3294

Qy      2881 GAGTCTCAACTTCATAATTCTCAGTATGCACATAATCAGTACAAAGGATCAACCAGCACA 2940
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3295 GAGTCTCAACTTCATAATTCTCAGTATGCACATAATCAGTACAAAGGATCAACCAGCACA 3354

Qy      2941 TCATATGGCAGTAACCTGAATGGAAAGATTCCATTGACATTCGAAGACTTATCACGGCAT 3000
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3355 TCATATGGCAGTAACCTGAATGGAAAGATTCCATTGACATTCGAAGACTTATCACGGCAT 3414

Qy      3001 CAGCTGCATGATCTGCACAGACCTTTACGCCCACATCCTAGAGTTGGTGTGCTTGGCTCC 3060
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3415 CAGCTGCATGATCTGCACAGACCTTTACGCCCACATCCTAGAGTTGGTGTGCTTGGCTCC 3474

Qy      3061 TTGCTGCAGAAGGAAATTGCAAACTGGTCGGAGAACTGTGGCACACAATCTGGTTATAAG 3120
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3475 TTGCTGCAGAAGGAAATTGCAAACTGGTCGGAGAACTGTGGCACACAATCTGGTTATAAG 3534

Qy      3121 TTAGGAGTGTCAACAGGAATAACATCGCATCAGATGAACAGAAAGGAACATTTTGAAGCC 3180
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3535 TTAGGAGTGTCAACAGGAATAACATCGCATCAGATGAACAGAAAGGAACATTTTGAAGCC 3594

Qy      3181 CTGAATTCTGGAATGTTTTCAGCAAAATGGAATGCATTGCAGTTGGGTTCTGTTAGCTCC 3240
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3595 CTGAATTCTGGAATGTTTTCAGCAAAATGGAATGCATTGCAGTTGGGTTCTGTTAGCTCC 3654

Qy      3241 AGTGCAGATTTTTTATCAGCGAGGAACAGCATAGCTCAATCTTGGACCAGAGGCAAGGGT 3300
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3655 AGTGCAGATTTTTTATCAGCGAGGAACAGCATAGCTCAATCTTGGACCAGAGGCAAGGGT 3714

Qy      3301 AAAATGGTTCATCCCTTGGATCGGTTTGTGAGACAGGATATCTGTATAACTAACAAGAAC 3360
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3715 AAAATGGTTCATCCCTTGGATCGGTTTGTGAGACAGGATATCTGTATAACTAACAAGAAC 3774

Qy      3361 CCAGCTGATTTTACTACAATCAGTAACGATAACGAGTATATGGATTACCGCTGAAGCAGA 3420
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3775 CCAGCTGATTTTACTACAATCAGTAACGATAACGAGTATATGGATTACCGCTGAAGCAGA 3834

Qy      3421 AAGTGGTGTGCATAATTCCTGAACATTTACAATCATACATTTCATCTTTATGGCGCCAAA 3480
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3835 AAGTGGTGTGCATAATTCCTGAACATTTACAATCATACATTTCATCTTTATGGCGCCAAA 3894

Qy      3481 TAGTCATACTGTAAGAGGAGGGCTTTGCTGGATCTGCTGTAAGGCTTCTTGTAAGTTGTG 3540
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3895 TAGTCATACTGTAAGAGGAGGGCTTTGCTGGATCTGCTGTAAGGCTTCTTGTAAGTTGTG 3954

Qy      3541 GATGCCCCATTTTCTGGATGGGAACCTGCCAGACAGTGAACAAGGGCTTTGCAAGGTGCA 3600
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      3955 GATGCCCCATTTTCTGGATGGGAACCTGCCAGACAGTGAACAAGGGCTTTGCAAGGTGCA 4014
```

```
Qy       3601 GCATCCGGTTTTTGTTTTGCCAGTCCAAGAAACGTCCTCCTGTTACTTTGTAGTTGTACT 3660
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       4015 GCATCCGGTTTTTGTTTTGCCAGTCCAAGAAACGTCCTCCTGTTACTTTGTAGTTGTACT 4074

Qy       3661 CATACTAGTGCGCTTGTTTGTACAAGGAGAAATGTGTAACCTTGTTGAAAAAAATGTCTC 3720
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||| ||||||||||||
Db       4075 CATACTAGTGCGCTTGTTTGTACAAGGAGAAATGTGTAACCTTGTTG-AAAAAATGTCTC 4133

Qy       3721 CCCCATTTTGTAATTACCATAAGGAGGTTTATAGTGTTGTGAGCTGTGTGTGACTGACGG 3780
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       4134 CCCCATTTTGTAATTACCATAAGGAGGTTTATAGTGTTGTGAGCTGTGTGTGACTGACGG 4193

Qy       3781 CGAGAAATGGTTTTGTCGGTGTTAAGGTTGAAACGACTAGCTCTCGTTATCAATGTGTTG 3840
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       4194 CGAGAAATGGTTTTGTCGGTGTTAAGGTTGAAACGACTAGCTCTCGTTATCAATGTGTTG 4253

Qy       3841 TAAACTTCTAGATTGATGTGTTACCTTACTCTTGAAGTCAACACCGGAGAATTTAC 3896
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       4254 TAAACTTCTAGATTGATGTGTTACCTTACTCTTGAAGTCAACACCGGAGAATTTAC 4309
```

3708

```
RESULT 3
US-10-437-963-40889
; Sequence 40889, Application US/10437963
; Publication No. US20040123343A1
; GENERAL INFORMATION:
;  APPLICANT: La Rosa, Thomas J.
;  APPLICANT:  Kovalic, David K.
;  APPLICANT:  Zhou, Yihua
;  APPLICANT:  Cao, Yongwei
;  APPLICANT:  Wu, Wei
;  APPLICANT:  Boukharov, Andrey A.
;  APPLICANT:  Barbazuk, Brad
;  APPLICANT:  Li, Ping
;  TITLE OF INVENTION: Rice Nucleic Acid Molecules and Other Molecules Associated With
;  TITLE OF INVENTION:  Plants and Uses Thereof for Plant Improvement
;  FILE REFERENCE: 38-21(53221)B
;  CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/437,963
;  CURRENT FILING DATE:  2003-05-14
;  NUMBER OF SEQ ID NOS: 204966
; SEQ ID NO 40889
;   LENGTH: 4640
;   TYPE: DNA
;   ORGANISM: Oryza sativa
;   FEATURE:
;   OTHER INFORMATION: Clone ID: PAT_MRT4530_44288C.1
US-10-437-963-40889

  Query Match             94.8%;  Score 3693.4;  DB 7;  Length 4640;
  Best Local Similarity   99.9%;  Pred. No. 0;
  Matches 3694;  Conservative    0;  Mismatches    1;  Indels    0;  Gaps    0;

Qy        202 TGGCTGTGTGTTGATTCTCTCCTCGTCGTGGTGATCGATATGGAGATTGTTGCAGTAGAT 261
              || ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        946 TGCCTGTGTGTTGATTCTCTCCTCGTCGTGGTGATCGATATGGAGATTGTTGCAGTAGAT 1005

Qy        262 CAGGAGGGAGCTCGTGTTGTTGGGACGAACTGTATGCTTGCTCGTGGTGGAACTGGTGCT 321
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       1006 CAGGAGGGAGCTCGTGTTGTTGGGACGAACTGTATGCTTGCTCGTGGTGGAACTGGTGCT 1065
```

WEST Search History

Hide Items | Restore | Clear | Cancel

DATE: Monday, April 10, 2006

Hide?	Set Name	Query	Hit Count
	DB=PGPB,USPT; PLUR=YES; OP=ADJ		
☐	L3	sung-zinmay-renee.in.	1
☐	L2	chen-lingjing.in.	2
☐	L1	moon-yong-hwan.in.	1

END OF SEARCH HISTORY